

# 受託解析サービスラインナップ

## 発現解析マイクロアレイ

### Agilent

#### ・Human

SurePrint G3 Human GE 8x60K Ver. 3.0

SurePrint G3 Human miRNA

SurePrint G3 Human miRNA 8x60K

#### ・Mouse

SurePrint G3 Mouse GE 8x60K Ver. 2.0

SurePrint G3 Mouse miRNA

SurePrint G3 Mouse miRNA 8x60K

#### ・Rat

SurePrint G3 Rat GE 8x60K Ver. 2.0

SurePrint G3 Rat miRNA

SurePrint G3 Rat miRNA 8x60K

#### ・Yeast

Yeast オリゴマイクロアレイ (V2)

…その他のカタログアレイも対応可能です。カスタムアレイも1枚から作成可能です。

### Affymetrix GeneChip®

#### ・Human

Human Transcriptome Array 2.0

Clariom D Assay, Human

Human Gene 2.0 ST Array

#### ・Mouse

Clariom D Assay, Mouse

Mouse Gene 2.0 ST Array

#### ・Rat

Clariom D Assay, Rat

Rat Gene 2.0 ST Array

#### ・miRNA

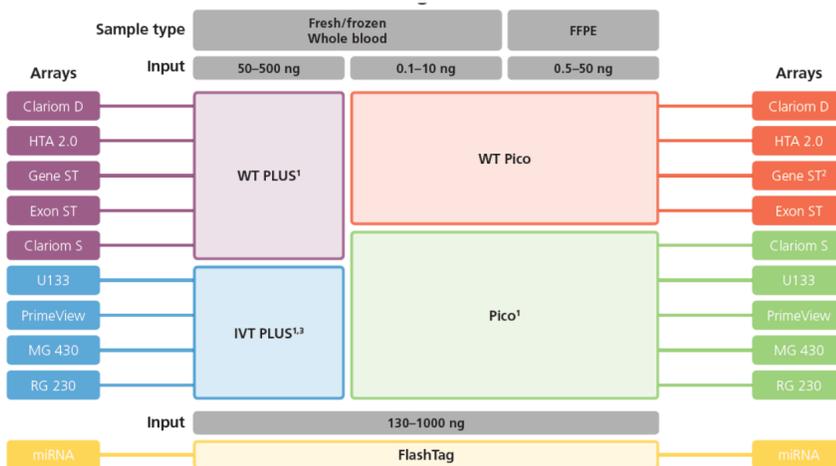
GeneChip® miRNA arrays

生物種	参照データベース	コンテンツ
Human 遺伝子発現マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 3.0	<ul style="list-style-type: none"> <li>RefSeq Build 66</li> <li>Unigene Build 236</li> <li>LNCipedia Version 2.1</li> <li>Broad Institute Human lincRNA catalog (Nov 2011)</li> <li>Broad Institute TUCP transcripts catalog (Nov 2011)</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Ensemble Release 76</li> <li>GenBank (Aug 2014)</li> </ul> <p>26,083 Entrez Genes 30,606 lincRNAs</p>
Mouse 遺伝子発現マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0	<ul style="list-style-type: none"> <li>RefSeq Build 66</li> <li>Unigene Build 236</li> <li>RIKEN 3</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Ensemble Release 76</li> <li>GenBank (Aug 2014)</li> </ul> <p>27,122 Entrez Genes 4,578 lincRNAs</p>
Rat 遺伝子発現マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0	<ul style="list-style-type: none"> <li>RefSeq Build 66</li> <li>Unigene Build 236</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Ensemble Release 76</li> <li>GenBank (Aug 2014)</li> </ul> <p>30,584 Entrez Gene</p>

[http://www.chem-agilent.com/pdf/Low\\_5991-6190JAJP.pdf](http://www.chem-agilent.com/pdf/Low_5991-6190JAJP.pdf)

	miRBase のリリース	21.0
Human	miRBase mature miRNA 数	2588
	マイクロアレイフォーマット 型番	8 x 60 K G4872A#70156
Mouse	miRBase mature miRNA 数	1915
	マイクロアレイフォーマット 型番	8 x 60 K G4872A#70155
Rat	miRBase mature miRNA 数	765
	マイクロアレイフォーマット 型番	8 x 15 K G4471A#70154

[http://www.chem-agilent.com/pdf/miRNA\\_flyer\\_Lo.pdf](http://www.chem-agilent.com/pdf/miRNA_flyer_Lo.pdf)



[http://media.affymetrix.com/support/technical/brochures/EMI06269-2\\_%20Flyer\\_Expression\\_Reagent\\_Guide\\_HYPERLINK\\_Final.pdf](http://media.affymetrix.com/support/technical/brochures/EMI06269-2_%20Flyer_Expression_Reagent_Guide_HYPERLINK_Final.pdf)

## アレイCGH

### Agilent

#### ・Human

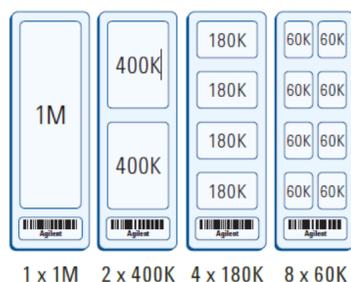
SurePrint G3 Human CGH

#### ・Mouse

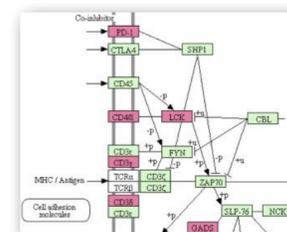
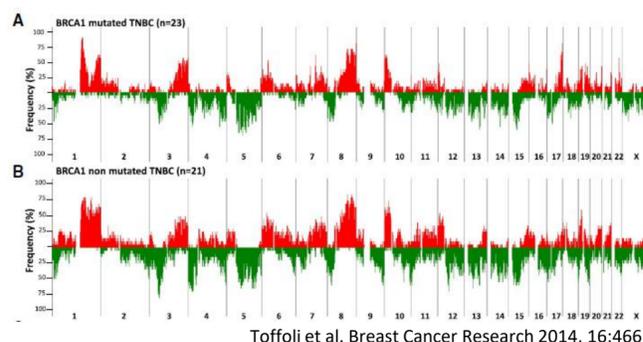
SurePrint G3 Mouse CGH

#### ・Rat

SurePrint G3 Rat CGH



[http://www.chem-agilent.com/pdf/Low\\_5991-5989JAJP.pdf](http://www.chem-agilent.com/pdf/Low_5991-5989JAJP.pdf)



## NGS

### ・トランスクリプトームシーケンス

mRNA-seq

small RNA-seq

de-novo RNA-seq

### ・ゲノムシーケンス

### ・メチレーション解析

・ChIP-Seq

### ・ターゲットシーケンス

キャプチャーキット

### ・エキソームシーケンス

キャプチャーキット

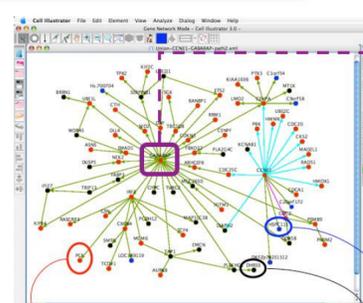
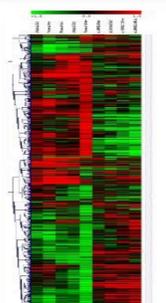
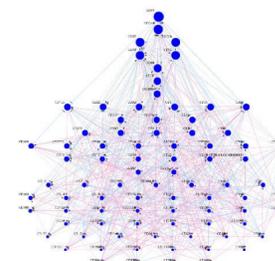
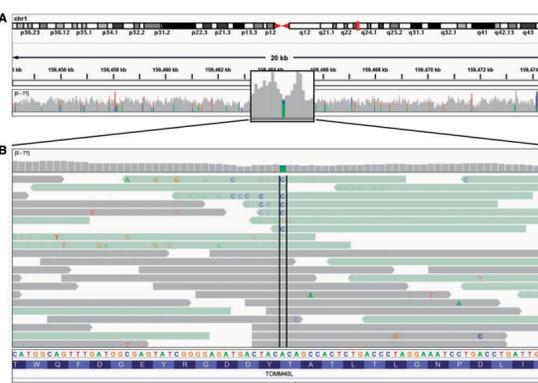
### ・アンプリコンシーケンス

### ・メタゲノムシーケンス



Nimblegen SeqCap EZ Choice Library Kit  
Agilent SureSelect Target Enrichment Kit  
TruSeq custom Enrichment Kit

Illumina TruSeq Exome Enrichment Kit  
Nimblegen Sequence Capture EZ  
Agilent SureSelect Human All Exon Kit



アポトーシス・細胞増殖との関連が報告されている遺伝子  
アポトーシス・細胞増殖との関連が報告されていない遺伝子  
機能未知遺伝子

## データ解析

・マイクロアレイデータ解析—パスウェイ解析、クラスタリング解析、GO解析、GSEA解析等各種の解析に対応いたします

・NGSデータ解析—発現変動解析、変異解析、SNPs解析他各種対応いたします

・遺伝子ネットワーク解析

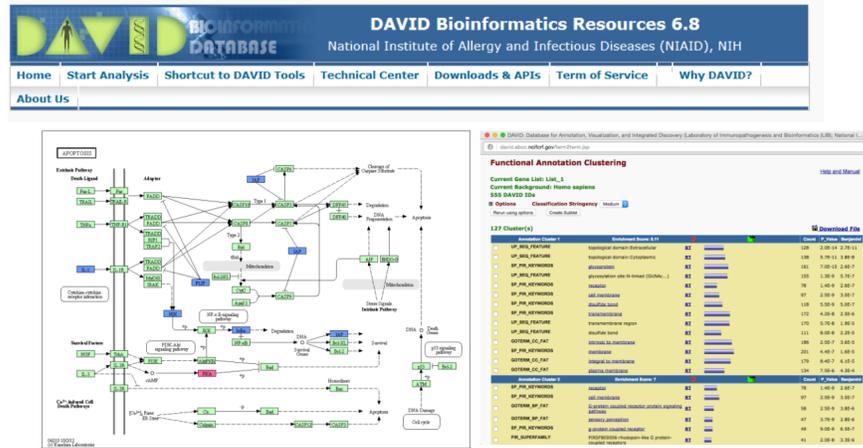
\* その他の解析ご希望の際はご相談ください。

### 株式会社セルイノベーター

812-8582 福岡市東区馬出3-1-1  
九州大学 九州大学 コラボ・ステーション I  
共同実験室 4-1  
株式会社セルイノベーター九州大学内ラボ  
TEL : 092-986-5427  
<http://www.cell-innovator.com/jp/>  
Mail: contact@cell-innovator.com

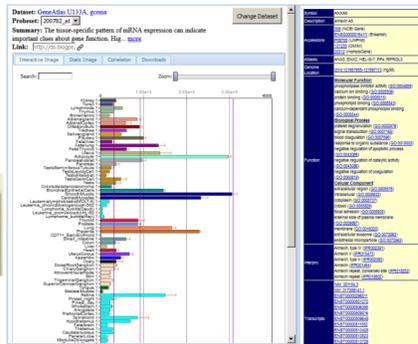
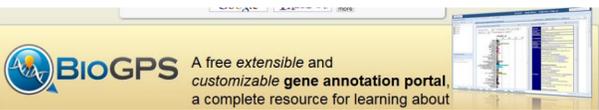
## DAVID (https://david.ncifcrf.gov/)

発現変動遺伝子のアノテーション情報の解析ツール。  
GO解析、パスウェイ解析などが可能



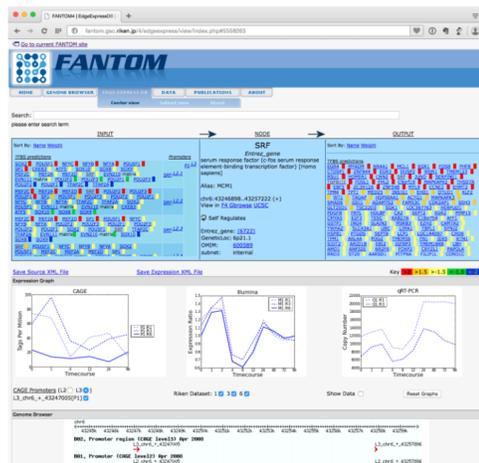
## BioGPS (http://biogps.org/#goto=welcome)

遺伝子の組織別発現情報  
対象遺伝子の発現特異性の確認  
組織特異的発現遺伝子の探索



## FANTOM (http://fantom.gsc.riken.jp/4/)

発現の制御関係の検索  
(ヒト、マウス)



## miRBase (http://www.mirbase.org/)

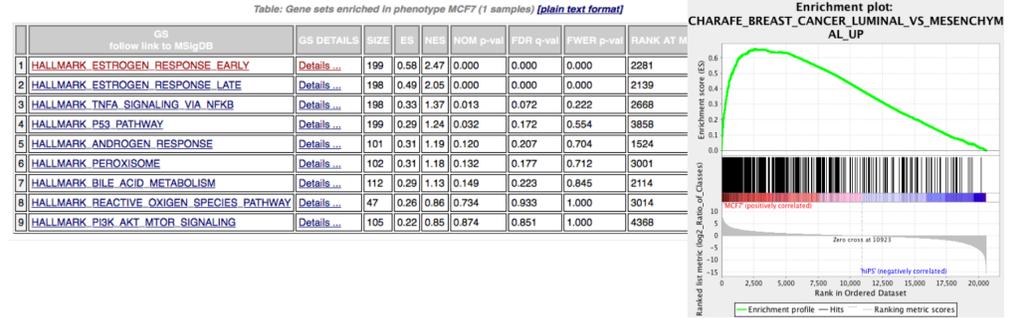
microRNAのデータベース  
ヒト、マウスなど223生物種由来の35828のmature miRNAと28645のhairpin precursor miRNAのデータを含む



## GSEA

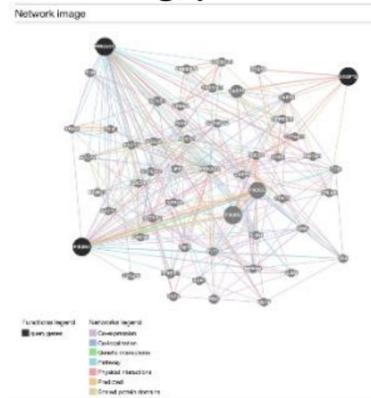
(http://software.broadinstitute.org/gsea/index.jsp)

MSigDBに登録された遺伝子セットを用いたエンリッチメント解析



## GENEMANIA (http://genemania.org/)

遺伝子の関係性の検索

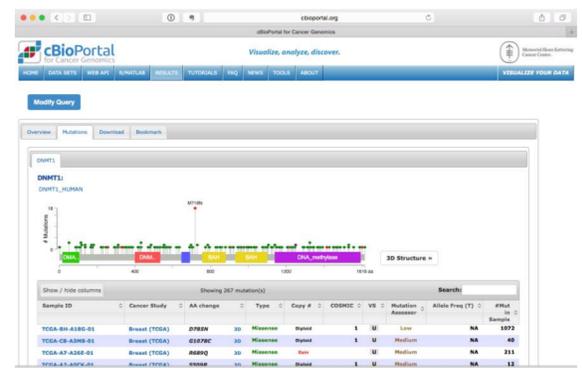


## The Cancer Genome Atlas (TCGA)

(http://www.cbioportal.org/)



各種がん細胞の発現プロファイルデータ、メチレーションのデータや、変異情報など



## TargetScan (http://www.targetscan.org/vert\_71/)

miRNAのターゲット遺伝子の予測  
ヒト、マウス、線虫、ゼブラフィッシュに対応



Search for predicted microRNA targets in mammals  
[Go to TargetScanMouse]  
[Go to TargetScanWorm]  
[Go to TargetScanFly]  
[Go to TargetScanFish]

Target gene	Representative transcript	Gene name	Number of 3' UTR sites in UTR #	Link to UTR in UTR #	Site counts	miRNA	Cumulative weighted miRNA scores	Total conservation score
SHISA1	ENST00000102024	shisa family member 7	5	Site in UTR 1	3 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.87
RPAS1	ENST00000408229	RPAS antisense RNA 1	22	Site in UTR 2	2 0 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.97
RSRC2	ENST00000317328	arginine-tartrate-inducible cold-shock 2	320	Site in UTR 2	2 0 0	2	hsa-miR-3951-3p	-0.97
RRAGB	ENST00000374941	Ras-activated GTP-binding B	104	Site in UTR 2	1 0 1	0	hsa-miR-21-3p	-0.75
CDON2D2	ENST00000405031	chromosome 20 open reading frame 202	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.69
DRIS1	ENST00000390792	ribosyl transferase, family 10, subfamily 10, member 1	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.68
C12orf88	ENST00000105043	chromosome 12 open reading frame 88	5	Site in UTR 2	2 0 0	1	hsa-miR-3951-3p	-0.68
RPY1181C3.1	ENST00000408181	digitonin-induced protein	7	Site in UTR 2	1 1 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.64
HTH	ENST00000107411	hsp70	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.63
HSD11A	ENST00000321301	HSD11A inducible domain family, member 1A	254	Site in UTR 2	1 1 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.63
PHYL1	ENST00000410923	phylloselin Cdk-2-like domain containing 1	87	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.63
SUPR2	ENST00000378456	small nuclear ribonucleoprotein polypeptide B	160	Site in UTR 2	1 1 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.63
CCAR1	ENST00000298722	cell division cycle and apoptosis regulator 1	1002	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.59
PYTTD1	ENST00000241924	beta-tubulin domain containing 1	891	Site in UTR 3	0 2 1	1	hsa-miR-21-3p	-0.59
PPP1R1A	ENST00000376058	protein phosphatase 1, regulatory inhibitor subunit 1A	117	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.58
SH2E2	ENST00000312064	cellular tyrosine kinase, substrate 1, member 2	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-3951-3p	-0.57
RINT1	ENST00000270022	RAD51 interactor 1	26	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.57
SDCC1	ENST00000102020	orthologous clathrin 1	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.56
SIPA4	ENST00000383514	Vg1 domain family, member 4	2422	Site in UTR 3	1 2 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.51
DEFA4	ENST00000374552	defensin, alpha 4, colostrum	5	Site in UTR 1	1 0 0	0	hsa-miR-21-3p	-0.50
NAP1L5	ENST00000320815	nucleosome assembly protein 1-like 5	28	Site in UTR 3	1 0 2	0	hsa-miR-21-3p	-0.50